

Wie wird ein Graph dargestellt?

Für einen Graphen $G = (V, E)$, ob gerichtet oder ungerichtet, verwende eine Adjazenzliste A_G :

- $A_G[i]$ zeigt auf eine Liste aller Nachbarn von Knoten i , wenn G ungerichtet ist, oder auf eine Liste aller direkten Nachfolger von Knoten i , wenn G gerichtet ist.

Wie wird ein Graph dargestellt?

Für einen Graphen $G = (V, E)$, ob gerichtet oder ungerichtet, verwende eine Adjazenzliste A_G :

- $A_G[i]$ zeigt auf eine Liste aller Nachbarn von Knoten i , wenn G ungerichtet ist, oder auf eine Liste aller direkten Nachfolger von Knoten i , wenn G gerichtet ist.
- Warum Adjazenzlisten? In vielen Anwendungen wie
 - ▶ Tiefen- und Breitensuche,
 - ▶ Algorithmen von Dijkstra und Primmüssen wir schnell auf Nachbarn oder Nachfolger zugreifen.

Tiefensuche für ungerichtete Graphen G :

Tiefensuche erzeugt einen Wald, die Kanten des Graphen werden in **Baum-** und **Rückwärtskanten** zerlegt.

Tiefensuche für ungerichtete Graphen G :

Tiefensuche erzeugt einen Wald, die Kanten des Graphen werden in **Baum-** und **Rückwärtskanten** zerlegt.

- Wenn Tiefensuche im Knoten v beginnt, werden alle von v aus erreichbaren Knoten besucht: Die Bäume des Walds entsprechen den Zusammenhangskomponente von G .

Tiefensuche für ungerichtete Graphen G :

Tiefensuche erzeugt einen Wald, die Kanten des Graphen werden in **Baum-** und **Rückwärtskanten** zerlegt.

- Wenn Tiefensuche im Knoten v beginnt, werden alle von v aus erreichbaren Knoten besucht: Die Bäume des Walds entsprechen den Zusammenhangskomponente von G .
- Wir erhalten schnelle Algorithmen für
 - ▶ die Bestimmung aller Zusammenhangskomponenten,
 - ▶ die Überprüfung, ob der Graph ein Wald oder ein Baum ist
 - ▶ die Überprüfung, ob G bipartit ist und
 - ▶ um aus einem ungerichteten Labyrinth herauszufinden.

Tiefensuche für gerichtete Graphen G :

Tiefensuche erzeugt einen Wald, die Kanten des Graphen werden in **Baum-**, **Rückwärts-**, **Vorwärts-** und **„Rechts-nach-Links“** Querkanten zerlegt.

Tiefensuche für gerichtete Graphen G :

Tiefensuche erzeugt einen Wald, die Kanten des Graphen werden in **Baum-**, **Rückwärts-**, **Vorwärts-** und **„Rechts-nach-Links“ Querkanten** zerlegt.

- Wenn Tiefensuche im Knoten v beginnt, werden alle von v aus erreichbaren Knoten besucht.

Tiefensuche für gerichtete Graphen G :

Tiefensuche erzeugt einen Wald, die Kanten des Graphen werden in **Baum-**, **Rückwärts-**, **Vorwärts-** und **„Rechts-nach-Links“ Querkanten** zerlegt.

- Wenn Tiefensuche im Knoten v beginnt, werden alle von v aus erreichbaren Knoten besucht.
- Wir erhalten schnelle Algorithmen für
 - ▶ die Überprüfung, ob G kreisfrei ist (keine Rückwärtskanten),
 - ▶ die Überprüfung, ob G stark zusammenhängend ist, also ob es für jedes Knotenpaar (u, v) einen Weg von u nach v gibt und
 - ▶ um aus einem gerichteten Labyrinth herauszufinden.

- Breitensuche, wenn im Knoten v gestartet, erzeugt einen **Baum kürzester Wege von v zu allen anderen Knoten.**
 - ▶ Die Länge eines Weges ist die Anzahl seiner Kanten.

- Breitensuche, wenn im Knoten v gestartet, erzeugt einen **Baum kürzester Wege von v zu allen anderen Knoten.**
 - ▶ Die Länge eines Weges ist die Anzahl seiner Kanten.
 - Leider versagt Breitensuche, wenn Kanten mit Längen beschriftet werden.
 - ▶ Die Länge eines Weges ist die Summe seiner Kantenlängen.
- Wir benötigen den Algorithmus von Dijkstra.

Dijkstra's Algorithmus

Für einen Startknoten s berechnet der Algorithmus von Dijkstra einen Baum kürzester Wege.

Dijkstra's Algorithmus

Für einen Startknoten s berechnet der Algorithmus von Dijkstra einen Baum kürzester Wege.

- Dijkstra's Algorithmus wird mit einem Heap von Knoten implementiert. Die Priorität eines Knotens v stimmt mit der Länge eines kürzesten, in v endenden **S-Weges** überein.

Dijkstra's Algorithmus

Für einen Startknoten s berechnet der Algorithmus von Dijkstra einen Baum kürzester Wege.

- Dijkstra's Algorithmus wird mit einem Heap von Knoten implementiert. Die Priorität eines Knotens v stimmt mit der Länge eines kürzesten, in v endenden **S-Weges** überein.
- Die Laufzeit von Dijkstra's Algorithmus für Graphen mit n Knoten und m Kanten ist $O((n + m) \cdot \log_2 n)$: Warum?

Dijkstra's Algorithmus

Für einen Startknoten s berechnet der Algorithmus von Dijkstra einen Baum kürzester Wege.

- Dijkstra's Algorithmus wird mit einem Heap von Knoten implementiert. Die Priorität eines Knotens v stimmt mit der Länge eines kürzesten, in v endenden **S-Weges** überein.
- Die Laufzeit von Dijkstra's Algorithmus für Graphen mit n Knoten und m Kanten ist $O((n + m) \cdot \log_2 n)$: Warum?
- Wie aktualisiert man die Distanzwerte nach Aufnahme eines Knotens w in die Menge S ?
Welche Knoten müssen überhaupt aktualisiert werden?

Dijkstra's Algorithmus

Für einen Startknoten s berechnet der Algorithmus von Dijkstra einen Baum kürzester Wege.

- Dijkstra's Algorithmus wird mit einem Heap von Knoten implementiert. Die Priorität eines Knotens v stimmt mit der Länge eines kürzesten, in v endenden **S-Wege** überein.
- Die Laufzeit von Dijkstra's Algorithmus für Graphen mit n Knoten und m Kanten ist $O((n + m) \cdot \log_2 n)$: Warum?
- Wie aktualisiert man die Distanzwerte nach Aufnahme eines Knotens w in die Menge S ?
Welche Knoten müssen überhaupt aktualisiert werden?

Warum ist Dijkstra's Algorithmus korrekt?
Der Begriff der **S-Wege** ist fundamental.

Die Algorithmen von Prim und Kruskal bestimmen minimale Spannbäume indem jeweils kürzeste S -kreuzende Kanten gewählt werden.

- Wie wählt man S in Prim's Algorithmus
- und wie in Kruksal's Algorithmus?

- Prim's Algorithmus baut einen minimalen Spannbaum Kante für Kante auf.
- Der Algorithmus benutzt einen Heap von Knoten;
 - ▶ die Priorität eines Knotens v stimmt überein mit dem Gewicht einer kürzesten kreuzenden, in v endenden Kante.

- Prim's Algorithmus baut einen minimalen Spannbaum Kante für Kante auf.
 - Der Algorithmus benutzt einen Heap von Knoten;
 - ▶ die Priorität eines Knotens v stimmt überein mit dem Gewicht einer kürzesten kreuzenden, in v endenden Kante.
-
- Wie zeigt man, dass Prim's Algorithmus korrekt ist?
 - Wie schnell ist Prim's Algorithmus und warum?

Kruskal's Algorithmus

- Kruskal's Algorithmus sortiert die Kanten nach aufsteigendem Gewicht
- und beginnt mit einem Wald von Einzelbäumen.

Kruskal's Algorithmus

- Kruskal's Algorithmus sortiert die Kanten nach aufsteigendem Gewicht
- und beginnt mit einem Wald von Einzelbäumen.
- Der Wald wird Kante für Kante zu einem einzigen Spannbaum vereinigt:
 - ▶ Eine Kante e wird genau dann eingesetzt, wenn nach Hinzunahme von e kein Kreis geschlossen wird.

Kruskal's Algorithmus

- Kruskal's Algorithmus sortiert die Kanten nach aufsteigendem Gewicht
- und beginnt mit einem Wald von Einzelbäumen.
- Der Wald wird Kante für Kante zu einem einzigen Spannbaum vereinigt:
 - ▶ Eine Kante e wird genau dann eingesetzt, wenn nach Hinzunahme von e kein Kreis geschlossen wird.
 - ▶ Für die Implementierung wird die [Union-Find Datenstruktur](#) verwendet.
 - ★ Wie wird die Union-Find Datenstruktur implementiert?
 - ★ Welche Laufzeit hat eine Find-Operation, bzw. eine Union-Operation höchstens?

Kruskal's Algorithmus

- Kruskal's Algorithmus sortiert die Kanten nach aufsteigendem Gewicht
- und beginnt mit einem Wald von Einzelbäumen.
- Der Wald wird Kante für Kante zu einem einzigen Spannbaum vereinigt:
 - ▶ Eine Kante e wird genau dann eingesetzt, wenn nach Hinzunahme von e kein Kreis geschlossen wird.
 - ▶ Für die Implementierung wird die [Union-Find Datenstruktur](#) verwendet.
 - ★ Wie wird die Union-Find Datenstruktur implementiert?
 - ★ Welche Laufzeit hat eine Find-Operation, bzw. eine Union-Operation höchstens?

Warum funktioniert Kruskal's Algorithmus und wie schnell ist er?